

---

**Identification de l'expérience**

date début-fin : 28 juin 01 7h au 29 juin 01 7h

n° proposition : 30-01-324

nom du laboratoire ou nom du responsable du projet :

IGBMC / Dino Moras – Alberto Podjarny

nom des utilisateurs présents : André Mitschler

nom du local contact : Jean-Luc Ferrer

---

**Temps de faisceau**

mode / intensité

temps alloué : 24h

temps utilisé : 24h

---

**Statistique d'utilisation**MAD                    oui [ ]      seuil:                    non [x]       $\lambda =$ 

cryo                    oui [x]                    non [ ]

---

**Rapport d'expérience et commentaires**

Data collection de 3 complexes PTP-inhibiteur dans la forme trigonal. Les complexes ont été résolus par remplacement moléculaire. Les statistiques sont les suivantes :

Ligand	Resolution ( Angstroms)	Rmerge	Rcryst(remplacement moléculaire)
Inh. 490	2.1	0.05	0.27
Inh.2224	2.1	0.06	0.33
Inh.2225	2.0	0.03	0.25

Il n'y avait pas de signal de l'inhibiteur dans la cavité active. L'affinement n'était pas suivi.